WO 2005/052135 PCT/KR2004/001210

:110>	Korea Advanced Institute of Science and Technology	
:120>	NOVEL RUMEN BACTERIA VARIANTS AND PROCESS FOR PREPARING SUCCINIC	
	ACID EMPLOYING THE SAME	
:130>	PP-B0038	
<150>	KR 10-2003-0084934	
<151>	2003-11-27	
<150>	KR 10-2004-0028105	
<151>	2004-04-23	
<160>	37	
<170>	KopatentIn 1.71	
<210>	1	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
	,	
<220>		
<223>	Primer LS1	
cagtgaag	ga gctccgtaac gcatccgccg	30
-210-	2	
<210> <211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer LP1	
		
<400>	2	

ctttatcgaa tctgcaggcg gtttccaaaa

30

<210>	3	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
	•	
<220>		
<223>	Primer LP2	
<400>	3	
gtactgta	aa ctgcagcttt catagttagc	30
<210>	4	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
		•
<220>	Turking TYTO	
<223>	Primer LH2	
	·	
<400>	4	
		20
gccgaaagtc aagcttgccg tcgtttagtg 30		
	·	
<210>	5	
<211>	10	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Linker 1	
<400>	5	
tctagaag	gct	10

<210>	6	
<211>	29	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer SXF	
<400>	6	
gctctagad	cc ttetategee ttettgaeg	29
	•	
<210>	7	
<211>	29	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
	·	
<220>		
<223>	Primer SXR	
<400>	7	
gctctaga	gg ctacaaaatc acgggcgtc	29
•		
<210>	8	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer SBG	
~~~	ETTINCT ODG	
<400>	8	
	c cttctatcgc cttcttgacg	3.0
-guggate	se ecceptacege ecceptaceg	30

<210>	9	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer SPR	
	;	
<400>	9	
gtcctgca	gg gctacaaaat cacgggcgtc	30
<210>		
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Prmer PB1	
<400>	10	
catggcgg	at ccaggtacgc tgatttcgat	30
<210>	11.	
<211>	30	
<212> <213>	DNA Artificial Sequence	
<b>\Z13</b> /	Artificial bequence	
<220>		
<223>	Primer PB2	
<400>	11	
caaggatc	ca acqqataaaq cttttattat	30

12	
30	
DNA .	
Artificial Sequence	
Primer CTR	
·	
og gggtttaagg gcaccaataa	30
•	
12	
·	
Primer CTF	
13	
cc gggctttgcg ccgaataaat	30
·	
Artificial bequeice	
·	
Primer KM1	
14	
	22
14	22
14	22
	DNA Artificial Sequence  Primer CTR  12 eg gggtttaagg gcaccaataa  13 30 DNA Artificial Sequence  Primer CTF  13 ecc gggctttgcg ccgaataaat  14 22 DNA Artificial Sequence

<211>	24	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
	•	
<220>		
<223>	Primer LU1	
•		
<400>	15	
cattgagg	eg tattateagg aaac	24
	·	
<210>	16	
<211>	23	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>`	Primer KM2 :	
<400>	.16	
gcagtttca	at ttgatgeteg atg	23
	,	
<210>	17	
<211>	24	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer LD2	
<400>	17 .	
cctcttac	ga tgacgcatct ttcc	24
<210>	18	
<211>	3.0	

<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer CM1	
<400>	18	
ggtggtata	at ccagtgattt ttttctccat	30
<210>	19	
<211>	28	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer PU1	
	·	
<400>	19	
ctttgcaad	ca ttatggtatg tattgccg	28
<210>	20	
<211>	30	
<212>	DNA .	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer CM2	
<400>	20	
tactgcgat	tg agtggcaggg cggggcgtaa	30
<210>	21	
<211>	26	
<212>	DNA	

<213>	Artificial Sequence	
<220>	•	
	Primer PD2	
~223>	ETTINGT 102	
<400>	21	
ccccagca	tg tgcaaatctt cgtcac	26
<210>	22	
<211>	32	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer	
<400>	22	
gctctaga	ta teegeagtat eactitetge ge	32
•		
	•	
<210>	23	
<211>	30	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer	
<400>	23	
	og gatoogggtt aacogcacag	30
-55-		
<210>	24	
<211>	39	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	

<220>				
<223>	Primer			
		·		
<400>	24			
ggggagct	cg ctaacttagc	ttctaaaggc	catgtttcc	39
<210>	25			
<211>	32			
<212>	DNA			
<213>	Artificial Se	equence		•
<220>				
<223>	Primer		·	
<400>	25			
gctctaga	ta tccgggtcaa	tatcgccgca	ac	32
		•		•
	•			
<210>	26			
<211>	30	•		
<212>	DNA			
<213>	Artificial Se	edneuce		
<220>				
<223>	Primer		•	
•				
<400>	26			
gaattcga	gc tcgcccgggg	atcgatcctc		30
<210>	27			
<211>	36			
<212>	DNA			
<213>	Artificial Se	emience		

<220>		
<223>	Primer	
	•	
<400>	27	
cccgggcc	ga caggctttga agcatgcaaa tgtcac	36
<210>	28	
<211>	32	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
12207		
<220>		
<223'>	Primer	
(223)	rimer ,	
<400>	28	
tacggatc	cc cagaaaatcg cccccatgcc ga	32
	•	
<210>	29	
<21,1>	37	
<212>	DNA .	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer	
<400>	29	
gctctaga	ta tegittgata tigiteegee acatitg	37
<210>	30	
<211>	36	
<212>	DNA .	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		

<223>	Primer	
<400>	30	
gctctaga	ta teegteagga aageaceege catage	36
<210>	31	
<211>	39	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>	•	
<223>	Primer	
	·	
•		
<400>	31	
ggggagct	cg tgtggcgctg cggaagtaag gcaaaaatc	39
	-	
<210>	32	
<211>	36	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer	
<400>	32	
cctgcagg	ca tgcaagcttg ggctgcaggt cgactc	36
<210>	33	
<211>	35	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer	

<400>	33	
gctgccaa	ac aaccgaaaat accgcaataa acggc	35
<210>	34 .	
<211>	43	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>	·	
<223>	Primer	
<400>	34	
gcatgtaa	ct ttactggata tagctagaaa aggcatcggg gag	43
	555 5 5	4.7
<210>	35	
<211>	34	
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
	•	
<220>	•	
<223>	Primer	
<400>	35	
	ar retenatare engenthes are	٠.
-, 55	5 55 cm and 5 mg 5 m	34
<210>	36	
<211>	36	
<212>	DNA	
	Artificial Sequence	
	•	
<220>		
	Drimar	

	<400>	36	
	gatccagg	ga atggcacgca ggetttcaac gccgcc	3
	<210>	37	
	<211>	37	
	<212>	DNA	
	<213>	Artificial Sequence	
	<220>	,	
	<223>	Primer·	
	<400>	37	
gcaaagccag aggaatggat gccattaacc aatagcg			2.5